

Las cotas de la manada tienen que empezar en algún lugar

Escoja una raza y unos rasgos, después busque el valor promedio de las DEPs.

Ejemplo

Raza—Angus Rojo

Rasgos—peso al nacer (BW), peso de destete (WW), peso de un año (YW), vetas de grasa (MARB) y área del ribeye (REA)

Valores promedio—BW=(-1.2), WW=54, YW=84, MARB=0.39 y REA=0.12.

El Hablaganados 695: ¿Qué hay en la sopa de toro?

Por Kris Ringwall, Especialista de ganado Servicio por Extensión de NDSU
Traducción por Dr. Michael Cartmill, Dickinson State University

La selección de toros solo requiere que uno comprenda o por lo menos aprecie los valores y tendencias de las DEPs dentro de una raza.

Comprar toros es como hacer sopa. Se pone un poco de esto y un poco de aquello y al fin y al cabo, tiene una sopa buena. Asimismo, un pedazo de esto y un pedazo de aquello y uno compone un toro bueno. No muy similar a la sopa que se hace de materias primas, el toro ya está completo, pero uno lo tiene que encontrar.

Finalmente, el toro proporcionará la mitad de los pedazos para su próxima cosecha de becerros. Así que, ¿cuáles son los pedazos? Tal como la sopa, cada cucharada debe ser completa y saboreada. Cuando las especias se agregan, literalmente se disuelven en cada cucharada. Asimismo, cuando el ADN del toro se añade a la manada, el ADN literalmente disuelve en los becerros y todas las generaciones futuras.

Con la tecnología de hoy, los pedazos de ADN se pueden detectar y aislarse generaciones después. Aún más que el toro, la manada es un acervo masivo de genes que producen una manada operativa y manejable.

Entonces, ¿cómo sabe uno qué genes tiene en la manada? Hay algunos rasgos tal como ciertos colores o cuernos que son el resultado de un gene individual que se puede detectar y filtrar bastante fácilmente.

Otro ejemplo son los muchos defectos genéticos en el ganado cuando un gene individual ha causado un “traspie” en la línea de producción para que las deformidades en los becerros sean el resultado final. Estos genes individuales pueden circularse y ocasionalmente expresarse.

Sin embargo, los genes de producción son nuestro enfoque principal hoy. Los genes de producción se manejan mejor por medio de la utilización de las diferencias esperadas de

progenie (DEPs). No se ven individualmente y se expresan mejor si uno las deja funcionar como equipo. A diferencia de agregar sal o una especia a la sopa, los genes de producción son más como la carne o plato principal.

Los genes de producción determinan cómo existe un animal, tal como aumentos diarios rápidos o lentos, lo pesado que es el becerro al nacer, lo bueno que califica el becerro, lo grande que es el ribeye o aun cuánta leche producirá la vaca. La lista es larga y los rasgos son numerosos.

Estos genes de producción se nombran según el efecto que se espera tener en un rasgo particular. Por el bien del entendimiento, veamos cinco de estos rasgos. Los cinco son el peso al nacer (BW), el peso de destete (WW), el peso de un año (YW), las vetas de grasa (MARB) y el área del ribeye (REA).

El proceso se enlace con las varias asociaciones de raza que registran el ganado y proveen las DEPs. Para los propósitos de la discusión, usemos el sitio de web de la Asociación de Angus Rojo (<http://redangus.org/>). Las DEPs son definidas por cada asociación de raza, pero las DEPs básicas tienen la misma definición. Cada raza también tiene rasgos únicos identificados como importantes y diferentes índices de selección que los criadores han identificado como significativos para su raza.

También hay dos conceptos para tener presente. Primero, comprar un toro significa que los productores deben evaluar su operación actual y después los productores deben seleccionar un toro para cambiar o mantener su operación actual.

En un sentido amplio, puede ser tan sencillo como aceptar una raza particular o sistema de reproducción y, en un sentido más detallado, mantener documentos individuales del desempeño de vacas/toros/becerras. Buscar y comprender el desempeño promedio de una raza de un acercamiento amplio para desarrollar cotas de selección. Mientras tanto, el sistema de documentación de CHAPS que está apoyado por el Servicio de Extensión de la Universidad Estatal de Dakota del Norte es un acercamiento más enfocado para hacer cotas.

El punto es que ambos sistemas funcionan, y la selección de toros solo requiere que uno comprenda o por lo menos aprecie los valores y tendencias de las DEPs dentro de una raza. Una vez que se encuentre esa apreciación, entonces uno puede fijar sus propias cotas de DEP y esforzarse a lograr esas metas individuales. En términos de la producción comercial, las DEPs individuales de toros son una herramienta tremenda para guiar el acervo genético de ADN dentro de una manada.

Volviendo a nuestro ejemplo, si abrimos el sitio de web de Angus Rojo (<http://redangus.org/>) y hacemos clic en la palabra “*Genetics*” y después hacemos clic en las palabras “*EPD Averages*,” vemos aparecer los datos del otoño de 2013 con los valores de DEP para los toros más viejos, las madres y toros más jóvenes.

Con relativa facilidad, podemos determinar los valores promedio para nuestros rasgos seleccionados en los toros más jóvenes. El BW es -1.2, WW es 54, YW es 84, MARB es .39 y REA es .12. Estas son cotas maravillosas si un productor prefiere el ganado Angus Rojo

promedio. Con estas DEPs, el comprador de toros potencial tiene una guía para empezar el proceso de selección

Sin embargo, si uno aprecia y desea mantener la producción actual de la manada, ¿por qué no volver y buscar las DEPs de los toros más viejos que se han comprado y utilizado en la manada? Evaluar los toros previamente comprados ayuda al productor a comprender las expectativas de manadas individuales comparadas con el promedio de la raza. Es un buen lugar para comenzar.

Que encuentre usted todas sus marcas orejeras.

Sus comentarios siempre son bienvenidos en <http://www.BeefTalk.com>

Para más información, contacte a la oficina de NDBCIA, 1041 State Ave., Dickinson, ND 58601, o vaya al <http://www.CHAPS2000.com> por internet.